

**Table S8. Identified Dfd enhancer elements in the fz2, CG5657, wg, and Eip63E genes**

Gene	Position enhancer	Chr	Binding site	Position	Dfd-binding sites	Sequence	Dfd-binding sites
------	-------------------	-----	--------------	----------	-------------------	----------	-------------------

**fz2 D. melanogaster:**

19192133...	19192319	3L	1	19192138...	19192145		TTAATTAA
		2		19192272...	19192279		TTAATTAA
		3		19192306...	19192313		TTAATTAC

**D. simulans:**

18527484...	18527668	3L	1	18527487...	18527494		TTAATTAA
		2		18527621...	18527628		TTAATTAA
		3		18527655...	18527662		TTAATTAC

**D. yakuba:**

21897025...	21897204	3L	1	21897027...	21897034		TTAATTAA
		2		21897161...	21897168		TTAATTAA
		3		21897195...	21897202		TTAATTAC

**D. erecta:**

19033519...	19033698	scaffold 1		19033521...	19033528		TTAATTAA
		2		19033655...	19033662		TTAATTAA
		3		19033689...	19033696		TTAATTAC

**CG56575 D. melanogaster:**

13621316...	13621527	2R	1	13621321...	13621328		TCAATTAG
		2		13621423...	13621430		GCAATTAT
		3		13621440...	13621447		GTAATTAT
		4		13621506...	13621513		GCAATTAG
		5		13621514...	13621521		ATAATTAC

**D. simulans:**

12728704...	12728916	2R	1	12728709...	12728716		TCAATTAG
		2		12728812...	12728819		GCAATTAT
		3		12728829...	12728836		GTAATTAT
		4		12728895...	12728902		GCAATTAG
		5		12728903...	12728910		ACAATTAC

**D. yakuba:**

15284603...	15284812	2R	1	15284608...	15284615		TCAATTAG
		2		15284710...	15284717		GCAATTAT
		3		15284727...	15284734		GTAATTAT
		4		15284791...	15284798		GCAATTAG

**D. erecta:**

8215019...	8215228	scaffold 1		8215024...	8215031		TCAATTAG
		2		8215126...	8215133		GCAATTAT
		3		8215143...	8215150		GTAATTAT
		4		8215207...	8215214		GCAATTAG
		5		8215215...	8215222		ACAATTAC

**wg D. melanogaster:**

7288376...	7288484	2L	1	7288376...	7288383		TCAATTAG
		2		7288457...	7288464		ATAATTAG
		3/4		7288472...	7288483		CTAATTAATTAA

**D. simulans:**

7083812...	7083920	2L	1	7083812...	7083819		TCAATTAG
		2		7083893...	7083900		ATAATTAG
		3/4		7083908...	7083919		CTAATTAATTAA

**D. erecta:**

16209833...	16209941	scaffold 1		16209833...	16209840		TCAATTAG
		2		16209914...	16209921		ATAATTAG
		3/4		16209929...	16209940		CTAATTAATTAA

**Eip63E D. melanogaster:**

3521487...	3521640	3L	1	3521492...	3521499		TTAATTAA
		2		3521608...	3521615		GTAATTAA
		3		3521627...	3521634		TTAATTAA

**D. simulans:**

3076069...	3076221	3L	1	3076073...	3076080		TTAATTAA
		2		3076189...	3076196		GTAATTAA
		3		3076208...	3076215		TTAATTAA

**D. yakuba:**

4165397...	4165508	3L	1	4165498...	4165505		TTAATTAA
		2		4165479...	4165486		GTAATTAA

**D. erecta:**

6236768...	6236888	scaffold 1		6236879...	6236886		TTAATTAA
		2		6236860...	6236867		GTAATTAA

Bold sequences show ATTA core sequence within each Dfd binding site.