

**Table S1. Primer sequences for bisulphite methylation analysis of the primary DMRs**

Locus/amplicon	Sense primer (5' to 3')	Antisense primer (5' to 3')
<i>Nespas-Gnasxl A</i>	GGGAGTTGAGGAGATGGGTAAT	AAATAACCTCTAATACAAAATTACCCCTAACTAA
<i>Nespas-Gnasxl B</i>	GGGGATGTTATTGGTATTTGGTAGGTTTAG	CTACCACCTAAATTTTAAACACTAAAAATTAC
<i>Nespas-Gnasxl C</i>	GTAATTTTTAGTGTTTAAAATTTAGGTGGTAG	CACACCTTACCTATCTAAAACAAAAAATCC
<i>Nespas-Gnasxl C1</i>	GTAATTTTTAGTGTTTAAAATTTAGGTGGTAG	AACACCTTTACTCTATAAAAACAATAAAAAAA
<i>Nespas-Gnasxl D</i>	GAAGAATTAGATGGGGAGGGAGG	CTATCACCTTCTAATTACACTTACCCC
<i>Nespas-Gnasxl E</i>	GATTATTTATTTTTATAAAGTTTGAAAATTGAGTTGGAG	CTTCTAAAAATCCACTAATCTCACTACC
<i>Nespas-Gnasxl F</i>	GAGATTGGTAGAGTTTTTATTGGGGT	CAAAAACTAACTTAACATCCATTACTTCAAAC
<i>Nespas-Gnasxl G</i>	GTGTTGGTATATTTTGAATAATTTGTGTAGAT	AACCTTACCAACAAAACTAAAATACCC
<i>Nespas-Gnasxl H</i>	GGGGTTGTTTAAAATATGTGATTTTGTATT	CTTACCTTCAATCTCACTAAAACTACTTA
<i>Gnas 1A A</i>	AGGTTTTTGAAAAGTAGTTTATAATGATTTAATT	ACACTAAAAAATATTCTCATCAAAATCAAAAACAC
<i>Gnas 1A B</i>	GGGTTTTGGGTAGGTTAATGTTAGG	CTTCTCTATTAATAAATATCACACCCAATC
<i>Gnas 1A C</i>	GTGTGTGTTGAATGAAGAGAAGTTATAATTAGT	ACCCACAAATACCTTATACCCAAATAAAC
<i>Gnas 1A D</i>	GTTTATTTGGGTATAAGGTTATTTGTGGGT	CCTAAACCTACCTCCCAATTTTCC
<i>Gnas 1A E</i>	GGTATTATGTTGAAGATGGTTATGAAGTTTAAAGTT	AACATCATCTTCTTATCAATATCACTATCC
<i>Gnas 1A E1</i>	GGTATTATGTTGAAGATGGTTATGAAGTTTAAAGTT	CCAACAACCTTCTTCCATCTTCTTAC
<i>Gnas 1A E2</i>	GTAAGAAGATGGAGAAGAAGTTGTTGG	AACATCATCTTCTTATCAATATCACTATCC
<i>Gnas 1A F</i>	GGATAGTGATATTGATGAAGAAGATGATGTT	CCCTCCTCTACAACAACAAAAC
<i>Gnas 1A F1</i>	GGATAGTGATATTGATGAAGAAGATGATGTT	CAACCCAAAACTACTAAAAACAACAATC
<i>Gnas 1A F2</i>	GTGTGGATTTTATTAGTATTTGTGTGG	CCCTCCTCTACAACAACAACAAC
<i>Peg10 A</i>	TTGATTAGAATTATTTTTATGTGATAATTTGAGG	CAAATTTTAAAAATCACCCATCTTTCAAAAC
<i>Peg10 B*</i>	GTAAGGAATAAGGTATTTAAATATTGATGGG	AACTCTTAAAAAATCTCAATAAACAACCTAA
<i>Peg10 C</i>	GTTTTAAGTTAAGGAAATGTTGGAGTTGAG	CTACAAACAACACCCATTACCCCTAC
<i>Peg10 D</i>	GTAGGGTAATGGGTGTTGTTGTAG	TCCCCAACTTAACCCCTAACC
<i>Peg10 D1</i>	GTTTGGTTTTAGAATTTTATGATTTGTTTT	TCCCCAACTTAACCCCTAACC
<i>Peg10 E</i>	TGTTTTGAAAGAGGGGTGTTGTGAG	ACATAAAAAATTCAAAAACCCACAACCC
<i>Peg10 F</i>	GTATTTAATTTGAAAAGTTGTAGGAGAG	TACAACAAAAATAAATCCCCACCTC
<i>Peg10 G</i>	GTTTTAGAGTTAGTTTATTTGGTTTTATTTTAAAGG	AACTATACAACCAAACTCAAAACAACAAA
<i>Peg10 H</i>	TTTGTGTTGTTGAGTTGGTTGTATAGTTT	CAACTCAACTCAAAAACAACAACCTCC
<i>Peg10 I</i>	AGTGGTGAAGGTTATAGATTTTAAATTGGTGAT	ACAACCTAACTCAAAATCAAAAAATACATACCTT
<i>Mest A</i>	GAAGTTTTTATTGGATATAGATAGGGTTTGGTAT	TCTACCCTAATCAAATATATCCTTTCCCA
<i>Mest B</i>	AGAGAATAAATTTTGGTTTAAAGGAAGGGT	CCAACAACCTAACCCCTCTACCTACC
<i>Mest C</i>	GGTAGGTAGAGGGTTAGGTTGTTGG	TCATTTACTACTACCACAACCCCTCT
<i>Mest D</i>	TGAGTGGTTAAGATGTTATTTTGTGGA	CAAAATCAATACTACACAACCTATTCCTACCT
<i>Mest E</i>	AGGTAGGGAATAGTTTGTGTAGTATTGATTTTG	CCAACAACCTAAACCCCTTACTCTCT
<i>Mest F</i>	AGGAGTAAGAGGGTTTAGTTGTTGGT	ACCCATTTTAAACACTATAACAAATTAACAAACCC
<i>Mest G</i>	AGTAGAGTATTTTATGTTGTTTGGAGGAGT	ACCTTCACATCCTTCTATACCATAATTAC
<i>Mest H</i>	GTGAATTATGGTATAGAAGGATGTGAAGGT	CTCTCAACCACAAAAACAATTCCAATCCAA
<i>Mest H1</i>	GTGAATTATGGTATAGAAGGATGTGAAGGT	CACTACTAAAAACCAACTAAAACCT
<i>Mest I</i>	GAGGTGGTGGTGAAGTAATTTAGG	CCCAACCATTTCAACTTTAATTACCTTA
<i>Mest J</i>	TAAGGTAATTAAGGTTGAGAATGGTTGGG	CCCCTTAAAAACCTCAACTACCTACC
<i>Mest J1</i>	TAAGGTAATTAAGGTTGAGAATGGTTGGG	CTAAAAATACCTAACACAATACCAAAACAC
<i>Mest K</i>	GGTAGGTAGTTGAGTTTTTAAAGGGG	CCCAACTTACCATACCTAAATTTCAAAAATCC
<i>Mest L</i>	TGATTTTTGGAAGTGATAATGTTATTTTGGTTGTT	AAATACTATAACTTACCTAACACTAAAAAC
<i>Mest M</i>	GTTTTAGTGTAGGTAAGTTATATAGTATT	TCAAATTATCAAAACAATAAAATACCTTACCAACAATACT
<i>Peg3 A*</i>	TGAGAAAAGAAGTATTTTATGGAGTATTATGGGAG	ACCTACCCTACCCTCTACCTT
<i>Peg3 B*</i>	AGATTGGAAATGATGGAATAAGATTAAGGG	AACCCCAAAAAAATCTTCAATACTCTTCAT
<i>Peg3 C*</i>	GGGTTGGTTGAGGGGTAGGGT	CCACACCCCTTTCCCAAAAATTCTA
<i>Peg3 C1*</i>	GTTTTTTTTGAGTGATTGGGTTATAGAAGTT	CCACACCCCTTTCCCAAAAATTCTA
<i>Peg3 D*</i>	GGGGTAAGTTTTAGGAAGGGG	CCCTACCCTACAACCAACCC
<i>Peg3 E*</i>	GGTGAAGAAGGGAGTGGTAGG	CCTTCAATAATCACTTCAAACACACC
<i>Peg3 F*</i>	GTTAAGGAAATTTATGGGTATAGAGAATAAAG	CTAAAAAATCTTAACTAATCTACTACATAA
<i>Peg3 G*</i>	GGGGAGTAGAATGAATAGTTAAAGATTTAAG	CTTATTCTCTATACCCATAAATTTCTTAAAC
<i>Peg3 G1*</i>	GGATTGGGGAATTAATAATTTGATATTTTATTTA	CTTATTCTCTATACCCATAAATTTCTTAAAC
<i>Peg3 H*</i>	GGTGGTTATTTAGGGAGAGGTTGTG	CTTAAATCTTTAACTATTCAITCTACTCCCC
<i>Peg3 I*</i>	GTTTGATGTTGTTTTAAGATATTGAGAGGTAT	TCTTACACAACCTCTCCCTAAATAACC

<i>Snrpn A</i>	GGGAAAATGTATTTTATGTTAAGATTGGGAAT	AATAAATCATCCATTTCAATTTACCAAATCC
<i>Snrpn B</i>	GAGAAGGTGGGGTGGATTATTAGT	ATATCTTTACCCCTCCTTTCCTACAATATC
<i>Snrpn C</i>	GATATTGTAGGAAAAGGAGGGGTAAAGATAT	CTATACAATACTTACTTTTACCCTACTATAAA
<i>Snrpn D</i>	TTAATGAGTGGGTAAAAGTAAGTATTGTATAG	ACTTCTAATTTAAAACCTTAAAACCTAACCCATA
<i>Snrpn E</i>	GTTTTGGTTAAATAGGATGTATTTTATTATTAG	AACAATTATATCCATTATTCCAAATTAACAATA
<i>Snrpn F</i>	GAGGGTTTGAAGAATTGTTAATGAGGTATTT	CCAACCCAACCATAACACATCTAT
<i>Snrpn G</i>	GAGAGGGTATTTTGAAGTTTGGGTT	TCAAACCTACATAAAATAAACCTACCTCACTAA
<i>Snrpn H</i>	AGTTTGGTTTATAATATGAGTTTTAGGATAGTTAGGATT	CCTCACTATATTTTTAAAAATCTTTCAAACCTATAACCACAA
<i>Snrpn I</i>	GTGTATTAGGGGTATGTTTTTGTTTTATAGAGGT	CCCCAACTCAAACCTAAACCTATACCC
<i>Kcnq1ot1 A</i>	GGAGGTTTTATTGATATGTGGTGTATTTTGATT	AAACAAATTTTTAAAACCCACATTTCTTTATAACAATAATA
<i>Kcnq1ot1 B</i>	AGATTTTTTTAGGAAAAGTTATAGATGGTTGAGG	ACAAACCAAAAATATTTTCTAACCCACCTCC
<i>Kcnq1ot1 C</i>	GGTGGTTAGGAAAATATTTTGGTTTTGT	AAATAATCCATTTCTACACCTATTTTCAAATAC
<i>Kcnq1ot1 D</i>	GTTGGGTGGGGTAAGTTTTAGGG	ACCTCCAACCATAAAAATTAATTTCACTACTACCTC
<i>Kcnq1ot1 E</i>	GTTGGGAAGGATTATGTAGAGAAAAGTATATT	CCAAAACCAAAAACATACTCATCTTTAAACC
<i>Kcnq1ot1 E1</i>	GGGTTTGATTGGATTAATAATGTATTATTATAGA	CCAAAACCAAAAACATACTCATCTTTAAACC
<i>Kcnq1ot1 F</i>	GTATTTGGATTGGGTGAGTTTGTATAGGAT	CTCCCCCTCCCTAAATCCTATTTAAAATC
<i>Zac1 A</i>	AGTGTTAATTTGAGAATTGATAGTAGAGTTAAGATGT	CCTACCCCATCCCATATAACATA
<i>Zac1 B</i>	GGGGTTGGGAGAGTAGGTTG	ACACTCTTCTCCTATCCTAACCCAAA
<i>Zac1 C</i>	TTTGGGTTAGGATAGGAGAAAAGAGTGT	CCATCCCCAAAAATAATCCACCC
<i>Zac1 C1</i>	TTTGGGTTAGGATAGGAGAAAAGAGTGT	ACCAAAAAATTTAACATAAACAATAATACCAC
<i>Zac1 D</i>	TTGGGTTGGAGTTTGAGTTTGTTTTTGG	CATTTCTCCCTCAACATAAAAAAATCTATAC
<i>Zac1 E</i>	AGAATTTGGTAGTTAAGGTTATTGTTTAGGG	AACTAAATAAAATATATCCAACCAACCAAAATTACTT
<i>Grb10 A</i>	GGTGAAAGAAGAGGATTATATTGTTTGG	ACTTCTTACCCTCCCATATCTAAAC
<i>Grb10 B</i>	TTGATGGATATGAGGGGTTAAAAGG	TTAACTACCCTTCTCATCAACTACC
<i>Grb10 C*</i>	TTTGAATGGTTAAGTGGTGGTAGTTT	ACAATCAAAATATAAACAATAATCTAACTACTTCTCAAAAATCT
<i>Grb10 C1</i>	GTAGTAAAATGTAATAGGTGATTTGATTGTTTT	CTAAAATTAACCTAATCATCTTTTAAACCTCACTA
<i>Grb10 C2*</i>	TTTGAATGGTTAAGTGGTGGTAGTTT	CCCATATCTACTTACAACCCAAACTAATTC
<i>Grb10 D</i>	TGTTGGGAAGTTTGTTTTGTGAGT	TCACTCAAAACTCCCCTCCTC
<i>Grb10 D1</i>	GTTTTTAGGGAATTGATTGGGTATTTTTGA	TCACTCAAAACTCCCCTCCTC
<i>Grb10 E</i>	GAAAAAGTTTGAGTATGGTTAAGAGAAAAGT	CCACCTTAAACCTCTACTCCC
<i>Grb10 F</i>	AGTATAGTTAGTTAAGGAGAGAAAATTTGGGTTT	CACAAAATCTCAAATTTATCCCTAATTTCCA
<i>U2af1-rs1 A</i>	AAAGATTTTTAGTTGAGTGATAGTATTGTAGTTTT	TCTCAACTCTTCTACACCATACCTA
<i>U2af1-rs1 A1</i>	AAAGATTTTTAGTTGAGTGATAGTATTGTAGTTTT	CTAAAAATATCACTCCAATATACAAAACAATC
<i>U2af1-rs1 B</i>	GTTTGTAAGTATAAGAGTTTATGGGGAT	TCCTACAATAAAAAACTCAACCTAAACC
<i>U2af1-rs1 C</i>	GATTATATGAAGAGTGGTTGTGAGGG	TCATAATCATCCCTTCTCACTACTCC
<i>U2af1-rs1 D</i>	GGAATGGAGTAGTGTAGAAGGGATGATTATGAT	ACCAAAATAATAACTTCTTAACTTACTATAATATTCCTCATA
<i>U2af1-rs1 E</i>	GAGGAATATTATAGTAAGTTAAGAAGTTATTATTTGGTTT	ACAAATTCCAAACCAACCAAAAATACATAA
<i>Igf2r A</i>	TGGTGGTTTTGGGTGGTAGTGA	AATTATCTACTCTCCCTTAAAAAACAACCCTA
<i>Igf2r B</i>	GGTGGTTAGGAAAATTTTATAGGAGTGGT	ACCCTCATCTACAAAATCCTCCCC
<i>Igf2r C</i>	GGGGAATTGAGGTAAGTTAGGGTTTT	TCTTATAACCCAAAAATCTTACCCTAAC
<i>Igf2r D</i>	GAAGGGTTTTGTGATTAGGGTTAA	AACACCTTCATATACCCCTAAACAC
<i>Igf2r E</i>	TGTGTTTAGGGGTATATGAAGGTGTT	TCCAAAATATACCAACCAATACAACAA
<i>Igf2r F</i>	AGTTAGAGTTATTAGAGAAGGAGGAGATT	AACTACCATAATATATACTAAACCCAAAACCAA
<i>Igf2r F1</i>	AGTTAGAGTTATTAGAGAAGGAGGAGATT	ACTCCAAATTTCTTACTATAATAAACCCACC
<i>Igf2r G</i>	TTGGTTTTGGGTTAGTATATATTAGGTAGTT	AACTATCCTTAACTCTCTTTATAATATCTCAATCTTAAA
<i>Impact A</i>	TTTTATGGTATTGGTATAGAGATAGGTAGGT	ACCTCCTCCATATCTTATAAACATTTCAAAA
<i>Impact B</i>	TTTTGAATGTTTATAAGATATGGAAGGAGGT	AAACTCTCACTCATCTTCAAACAA
<i>Impact C</i>	TGTTTTGAAGGATGAGTATGAGAGTTTT	CCCTACTAAAACCTTACCTACCTTAAC
<i>Impact D</i>	GTGGTATAGATGGGTAGGGTTAG	CATCTTAAATTTCCCACTTTCCAA
<i>Impact E</i>	AGGGTTGGGATTAAGATGTGTATT	AAATCCCCTCCTTCATATTTATAATTCTAC
<i>H19 A</i>	TTTTTATAGAAAATTAGAGGGTAAAATGATGG	CAACATAAATAACAAATACATAAAAAACTATCACT
<i>H19 B</i>	TGAATATTTTATGATGGAATTGTTTTAGATTAGG	CCTTCTTACTTAAAAAACTCAAAACACC
<i>H19 C</i>	AGTGGGTGGATAAATTAGGTGGTTGA	ACAAACACACCATTCCATAAAACACTAC
<i>H19 D</i>	GAATGGTGTGTTGTAGGTTGGAT	AACAAATAAATCTCCTTCTCTCTTAAACCTC
<i>H19 E</i>	GAGGTAAAGAGAGAAGAAGGAGATTTATTTGTT	CAACTTCAATATAACAAAATACCTAAAACACCACC
<i>H19 F</i>	AATGGGAATTTGAGGGTATGGGTTTT	ACCCTTAAATCTCCTCCCATCTAAAAC
<i>H19 G</i>	GTTATTGTTGTTGGGTGGATTTAAGTTATGATATTG	ACCACACCAATAAATAACTTACATATAATAACCAACC
<i>H19 H</i>	AATGGTTGAATTTAGTTTTGTTTTATGGTT	ACCAATACAATCCACATACTTTATCATAAAA

<i>H19 I</i>	TGATTTTTTGGAGGTATTGAATTTGGGTGATT	ACTTCTACCCTAACCAATCCCCAAATTAAC
<i>H19 J</i>	GGTAGAAAGTATAATGAGGGTAGTAAGTTTTGG	TCCTAAAACCTCACTTTATAAACCAAACCTAACCTC
<i>H19 J1</i>	GGTAGAAAGTATAATGAGGGTAGTAAGTTTTGG	AACACCACCATACTCACAATAATATAAAAAACAC
<i>H19 K</i>	GATGGGATATATAGATAGGATATATAGATGGGAT	CATTATCCCCTCCATATAACACCTAC
<i>H19 L</i>	ATGGGTATAGAGAGAAAAGAGGGAGT	CTTTTACAACCAAAAAACAAAACAATAATAAAAC
<i>Rasgrf1 A</i>	GAGGTAATTTTTTGGAGGGGAAGTT	ACTCCACATAAAAAACATAACTTCCCAC
<i>Rasgrf1 B</i>	GTATGTTATTGTGTTTTTAAGGTTGTTTTTAAA	CTAAAAAACCTAACTCATACAAAACAAAAAAC
<i>Rasgrf1 C</i>	AGGTAGGAGATTAGTTGTGTTGGGT	CCCAATTATCATCAATTAAAAAATCATTAACTAAAAACCAAC
<i>Rasgrf1 D</i>	TGGTTTTAGATTAATGATTTTTTAATTGATGATAATTGGGT	ATTCTATCCTTTAAAATAACCAATAAAAAACACAATACACT
<i>Rasgrf1 E</i>	AGTGTTATTGTGTTTTATTGGTTATTTTAAAGGATAGAAT	AAACCATCACAACAAAAACACACAACCTC
<i>Rasgrf1 F</i>	GAGTTGTGTGGTTTTTGTGATGGTTT	TCCTAATAACCAAAAAAACATTTTAAATCCCC
<i>Rasgrf1 G</i>	GGGATTTAAAATGTTTTTTTTGGTTATTAGGGAT	ACATTCTCAACAAAAACAATAACCTACCTA
<i>Rasgrf1 H</i>	TGTTTTGTGAGAATGTATGTGTTAAGAGAGT	ACCCAACCTACATAAACCAAAACAAAATAATACC
<i>Rasgrf1 I</i>	GGTATTATTTGTTGGTTTATGTAGAGTTGGGT	AACTTTATAAACTCTCAAAAAATCCCCAAATTC
<i>Rasgrf1 J</i>	GGAATTTGGGGATTTTTAGAGAGTTATAAAGT	CAAAAACAACAATAATAACAAAAACAAAAACAATAT
<i>Rasgrf1 K</i>	GTTATTGTTGTTTTTTTTTTTTATTGTTTTGTTTAGTTGTTA	CAAAAACAATAAAAAATAAACAATAAAAAACAAAAACAATAC
<i>Rasgrf1 L</i>	TTGTTGTTTTGTTTTATATTGTTTTGTTTAGATATTATTGTTG	CAAATCTAATCTTCTCATCAAAATATCTCCAACATA
<i>Rasgrf1 M</i>	TAGTTGGAGATATTTGATGAGGAAGATTAGATTTG	AACCATCCTAATTAACAAAAACAAACCC
<i>Rasgrf1 N</i>	TTTTGTTGTTTTAGTATGTTAAGATTGAAATGTGAATT	TTCCAACCACATATAAATTCACATACCTT
<i>Rasgrf1 O</i>	AAGGTATGTGAATTTATATGTGGTTGGGAA	TCCATTCCTCCCTCCAAAAAACAC
<i>Rasgrf1 P</i>	AAATTTGAATTTGGAATTTATTAGTTGGGGGA	ACCCTAAAAACAAAAACAATCAAAACTCTCT
<i>Rasgrf1 Q</i>	TTGTTTTAGGGTTTTTGTAAAGTTTATTGGA	ATAACCCCCATTTATTCAAATACAAAAACC
<i>Rasgrf1 R</i>	TGGGAGGAAGGATTGTGTATATATGGAT	ACTTCCAAAAACTCTCTACTTTCTCTA
<i>Rasgrf1 S</i>	GGTTTGAATTTGTAGGTTATGAGTTTTGTATG	CTACACAACCTATTCTAACACTCAACC
<i>Rasgrf1 T</i>	GGGTATTTGATTTGTTAGTTGGTATTATTAGTTA	TAAATAACAACCTTCATCAACTTAATCTATAAAAC
<i>Rasgrf1 U</i>	TAAGTTGGATGTTAGGGATAGTGTGTA	TAACAAATAAACTCCCTACTACTACTC
<i>Dlk1-Gtl2 A</i>	GATAGGTTTTAGTGAATATTAGGGAGGTATTT	CAAATCCCCTCAACACAAATTCTACA
<i>Dlk1-Gtl2 B</i>	AGGTTAAGATTTAATGATAGAAAGGTTAGGTT	TCTCCATTCTCTCCAACCAATAAAAAAC
<i>Dlk1-Gtl2 C</i>	GTTTTATTGGTTGGAGAGAATGGAGA	TCTAAACATTTCTACACCCCCACC
<i>Dlk1-Gtl2 D</i>	GTTTGGGATTTATGGGGTATTTTAAAGATTATT	ACCACCTCAACACAACCTACATA
<i>Dlk1-Gtl2 E</i>	AGGGAATAGGATGTATTATGGAGTAATGT	AAACACCTAACCTATATTACAATACATCCATA
<i>Dlk1-Gtl2 F</i>	ATATGGATGTATTGTAATATAGGTTAGGTTGTT	AATACACCATAACATAAAACATAAAAAATCCACAA
<i>Dlk1-Gtl2 G</i>	GTGTTGTAATTAGTTATAGTGGAGAGATATGTT	TCCCCCACCAAAAACTAACC
<i>Dlk1-Gtl2 H</i>	TTATTATTTGTGGTTATTTTTATTTAGAGAAAAGTTTTATTGTTG	TCCTTAAAACCTCAAAAAACCAAAATTATAATCTC
<i>Dlk1-Gtl2 I</i>	AGGAAGGGTAGTAGGGAATTTGTT	ATCCAACCCAACCAAAATCCATAAAC
<i>Dlk1-Gtl2 J</i>	GGTGGGAGAGAAGAGTTGTATAATGTT	TCTATCTAACTCCAAAAACAAACATCTTAA
<i>Dlk1-Gtl2 K</i>	GTTTTTGAAGGTAGTTTGTGTTTGT	CCCTCAAATTAACCTCTCAATAAATATCC
<i>Dlk1-Gtl2 L</i>	TGGAGGGTTAAGTGGGTTAGTTTTAAG	CCCTAAATCAACTATAAAAAATATATATACCAACAA
<i>Dlk1-Gtl2 M</i>	GTTTTTATGTTGGGAGATATAGGAATATAGTTTAT	AACAACCCTAACTCCCTAAAAAAAATC
<i>Snrnp70</i>	TTATTTTTAGAGGTAAGTTAAGGTGGAAAAG	AAAACCTAACCTAAAAACCTAATAACC
<i>Pard6b</i>	GGATTAGGTGATTGATATGATGATAGTTAATAGT	ACTTCCAACCTATATCCAACCTACC
<i>Lambda DNA A</i>	GTTATTTTAAAATGTTGTTGGGTGTTTAT	CCTATTCAATATCATCATCAAAAAACAA
<i>Lambda DNA B</i>	GTTTTGTTGGAGTTAGTATGGAATAGTAA	ATTCTAAATACCATTATACAAACCTACAATA

\*Primers designed on the antisense strand.