

Table S1. Length at division (means \pm s.e.m.) before and 120 minutes after

		Glutamate (μ m)	Proline 120 minutes (μ m)
JP3	wt	13.1 \pm 0.09	9.2 \pm 0.08
JP657	<i>tor1::ura4+ ura4.d18</i>	16.5 \pm 0.25	16.4 \pm 0.25
JP690	<i>sin1::ura4+ ura4.d18</i>	16.2 \pm 0.16	14.2 \pm 0.13
JP692	<i>ste20::ura4+ ura4.d18</i>	16.2 \pm 0.18	14.3 \pm 0.16
JP658	<i>tor1::ura4+ pyp2::KanMX6 ura4.d18</i>	13.9 \pm 0.17	NA
JP577	<i>sin1::ura4+ pyp2::KanMX6 ura4.d18</i>	16.1 \pm 0.18	NA
JP667	<i>ste20::ura4+ pyp2::KanMX6 ura4.d18</i>	15.7 \pm 0.15	NA
JP598	<i>gad8::ura4+ ura4.d18</i>	14.59 \pm 0.1	14.55 \pm 0.1
JP600	<i>gad8::ura4+ pyp2::KanMX6 ura4.d18</i>	12.1 \pm 0.1	NA
JP763	<i>mip1-15-flag mip1::ura4+ ura4.d18</i>	12.2 \pm 0.1	10.5 \pm 0.08
JP788	<i>mip1-15-flag mip1::ura4+ pyp2::KanMX6 ura4.d18</i>	10.6 \pm 0.08	NA
JP760	<i>mip1::mip1.310-ura4+ ura4.d18</i>	13.4 \pm 0.09	12.4 \pm 0.1
JP790	<i>mip1::mip1.310-ura4+ pyp2::KanMX6 ura4.d18</i>	12.3 \pm 0.08	NA
JP801	<i>gad8.S527A.S546A-6HA(KanMX6) gad8::ura4⁺ ura4.d18</i>	13.3 \pm 0.08	12.8 \pm 0.08

nutrient shift

		Msl +NH ₄ (μm)	Msl -NH ₄ 120 minutes (μm)
JP3	wt	12.3±0.08	8.1±0.06
JP657	<i>tor1::ura4+ ura4.d18</i>	16.2±0.18	12.6±0.13
JP598	<i>gad8::ura4+ ura4.d18</i>	15.8±0.1	13.0±0.14
JP763	<i>mip1-15-flag mip1::ura4+ ura4.d18</i>	11.4±0.06	7.9±0.06
JP760	<i>mip1::mip1.310-ura4+ ura4.d18</i>	12.3±0.08	8.7±0.06