

1 TTGCGTGGTGTTCAGTGAAAAAACATAGGGATCCTTCTACCTTCTGTGATTTTTACCCACTTACTGGATCTTCT 75
76 CGTAGGAAGGTAGACAAAAGATGGCCGGTTCAACGTGCAAGAACGGCTTGGGATGGAAGACCTGAAAAGGGGAAT 150
1 M A G F N V Q E R L G M E D L K R G I 19
151 TTGAAAAGCTTTGTTAGCAGAATTTCTGGGCAACCTCCTCCTAAATTACTACGGGTGTGCTAGCTGCATTGCCTG 225
20 W K A L L A E F L G N L L L N Y Y G C A S C I A W 44
226 GACGAAGGACACACCAGAGTCTGTACACCAGAGAATGAACATGTAGAAAATCCCAGGGCAAACCATGTGCTCGT 300
45 T K D (T) P E S V (T) P E N E H V E N P R A N H V L V 69
301 TGCCCTTACTTTCCGGTCTTGTGCATCATGGCCATAGTCCAGTCCATCGGCCACGTGAGTGGGGCCCATGTGAATCC 375
70 A L T F G L V I M A I V Q S I G H V S G A H V N P 94
376 GGCTGTGACCTGCGCCATGCTTATACCCGGTAATATCGCAATTATTAAAGGCTTTCTGTACATAATTGCACAATG 450
95 A V T C A M L I T G N I A I I K G F L Y I I A Q C 119
451 CATTGGATCTCTCGCAGGAAGTCTGTGCTCAAGGCTTTCACTCCTAATGGCACTCAGGAAAACCTGGGAGCCAC 525
120 I G S L A G T A V L K A F T P N G T Q G K L G A T 144
526 AGAATTGGGGGAAGACGTATTGCCAATTCAAGGATTTGGAGTGGAGTTCATGCTAGGATTTGTGCTGGTCATTGT 600
145 E L G E D V L P I Q G F G V E F M L G F V L V I V 169
601 GGTGTTTGGAGTCTGTGATGCCAATCGTCCTGAGTTCAAAGGATTTGCTCCTCTTGTATTGGTCTTACAATTAC 675
170 V F G V C D A N R P E F K G F A P L V I G L T I T 194
676 ACTGGGTACACCTTGTGCTGACTAAGTACACTGGATCAAGTATGAACCCTGCCGTACCCCTGGATCAGCTGTAGT 750
195 L G H L A A L S Y T G S (S) M N P A R T L G (S) A V V 219
751 CTCAGGAATTTGGAGTGACCACTGGGTATACTGGCTTGGCCCCATCTGGGTGGTTGCAGTGCAGGGCTATTGTA 825
220 (S) G I W S D H W V Y W L G P I L G G C S A G L L Y 244
826 CAAGTATGTTTCTCTCAGCTGCTCCTGTTGAAACCACCACAGAATACAGTCCAGTTTCAAGTGAACAGATTGGACAA 900
245 K Y V L S A A P V E (T) T (T) E Y (S) P V Q L K R L D K 269
901 GAAGAAGGAAGAAGATGGTATGCCTTGAGTGATAATCATCTGATGAAACTGCAACCACCAGAAATTTATAGAAT 975
270 K K E E D G M P 277
976 GCTAGTAAAATAATGAAAGTGGAGTATCCTAAGGCACAATTGTACATACAATATCATTTAATGTTAAAGGTTGCA 1050
1051 CTAAATGAAATGTACAGACTTATTTGCTTGGACTCCTATATTCATACATATGGGACATTTTTTTGTTCTCTGGGT 1125
1126 ATTCTAGCAGTTTAAATTCATTTATCCTCTCAAAGGGAATTTGTAATGAAAATTCATCACTGAAGATTATACA 1200
1201 TGTGCAATGCAGTTGATCATAGTTCAAGATGATGATTTCTGGTTTAGGGACAGATTTAAATCCAGAAGTTTGGTA 1275
1276 TTTCTTTTTAGTAGATACATCTGTTAATTGTTGTGGTAATCAATTTAATCATATTGAACACTATCAAGAACTTTA 1350
1351 AAATTTATGAAGCTAAAAGTAAATACCATTAGATTATTGCAGAATATTTTTATAAACTATTTCTACATTTCAAAT 1425
1426 TGCCTATAGATTACAGACAATTTAATCTTTGCTAAGTAGTCTCACATTTCTATCATGACATTTTACTTGTTAGG 1500
1501 ATTGATTAATACTATGTACTGTACTACTGCCAATATTAATAAAAACAAATACAGTATATGTAACCTTACAAAGATT 1575
1576 CAAAATGTTTAAATGGAAGATTATCTTCTTAATTTTAGTAAGAAAATTGAGGCTTAAATTCATATATATCCATA 1650
1651 TTGTATTTTTATATGTTTAAATCAAAATGTTGTAATGTGTGGCAAGTGTAGAATTTTTGTATGAGAGTGTAGCTG 1725
1726 TGTGAAATTTTTTATATATTACATGATCTTGGGATCATTTGTCATTACATGAAATCCCATGCAGATTGGGAAAT 1800
1801 AAAATGATTATATTAATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA 1838