

Table S2. Normalized gene expression values (means \pm s.d.) for liver samples taken from hibernating and post-reproductive arctic ground squirrels

Gene	+2°C hibernator	-10°C hibernator	Post-reproductive	FDR-adjusted <i>P</i>
<i>ACACB</i>	0.06±0.01	0.07±0.04	1.01±0.12	0.003
<i>PAH</i>	0.39±0.10	0.43±0.17	1.01±0.15	0.003
<i>CPT1A</i>	9.00±6.59	8.66±2.57	1.07±0.42	0.008
<i>PCK1</i>	9.99±4.68	8.17±2.76	1.21±0.99	0.008
<i>FABP1</i>	3.33±1.43	4.18±1.51	1.05±0.34	0.017
<i>SCD</i>	0.01±0.01	0.01±0.01	1.07±0.39	0.017
<i>ACAT2</i>	0.33±0.08	0.33±0.05	1.03±0.28	0.022
<i>BCKDHA</i>	0.69±0.09	0.69±0.20	1.01±0.12	0.024
<i>PDK1</i>	0.91±0.18	0.68±0.14	1.00±0.04	0.024
<i>HMGCS2</i>	1.96±0.38	2.03±0.26	1.06±0.41	0.030
<i>ACAT1</i>	1.35±0.20	1.41±0.21	1.01±0.14	0.036
<i>PFKM</i>	0.27±0.17	0.22±0.12	1.07±0.40	0.039
<i>ELOVL6</i>	0.02±0.01	0.04±0.04	1.08±0.50	0.044
<i>OTC</i>	0.85±0.11	0.63±0.14	1.01±0.18	0.049
<i>IDH2</i>	1.84±0.52	2.07±0.55	1.05±0.40	0.050
<i>GOT1</i>	1.77±0.55	0.72±0.37	1.08±0.43	0.052
<i>AGPAT3</i>	0.50±0.18	0.50±0.23	1.03±0.29	0.062
<i>GAPDH</i>	0.86±0.11	0.77±0.11	1.00±0.11	0.075
<i>G6PC</i>	1.19±0.54	1.39±0.26	1.00±0.07	0.087
<i>HPD</i>	1.14±0.30	0.68±0.19	1.08±0.40	0.090
<i>ACADVL</i>	1.53±0.43	1.70±0.34	1.04±0.35	0.105
<i>GLUD1</i>	1.41±0.50	1.59±0.43	1.02±0.21	0.118
<i>CRAT</i>	1.57±0.61	1.38±0.37	1.01±0.18	0.161
<i>FABP4</i>	2.02±1.35	3.91±2.44	1.15±0.62	0.161
<i>AGR1</i>	0.71±0.13	0.64±0.23	1.03±0.28	0.214
<i>GSY1</i>	0.66±0.20	0.78±0.13	1.02±0.26	0.218
<i>LDHB</i>	1.08±0.55	0.61±0.15	1.10±0.57	0.218
<i>UGP2</i>	0.84±0.05	1.00±0.23	1.01±0.16	0.218
<i>ACSL3</i>	0.71±0.18	0.69±0.16	1.03±0.28	0.225
<i>PDK2</i>	1.04±0.38	0.61±0.36	1.10±0.46	0.246
<i>CS</i>	0.56±0.09	0.52±0.18	1.11±0.55	0.290
<i>ACAA2</i>	1.45±0.27	1.41±0.27	1.05±0.35	0.294
<i>HADHA</i>	1.64±0.40	1.59±0.56	1.08±0.49	0.295
<i>GSK3A</i>	0.79±0.32	0.59±0.29	1.17±0.62	0.336
<i>GSY2</i>	1.25±0.36	0.88±0.28	1.03±0.24	0.341
<i>ACADM</i>	0.81±0.15	0.70±0.21	1.05±0.36	0.372
<i>BDH2</i>	0.95±0.32	1.16±0.18	1.01±0.12	0.384
<i>HADHSC</i>	0.94±0.09	1.08±0.21	1.00±0.07	0.384
<i>OXCT1</i>	0.69±0.21	0.85±0.14	1.16±0.75	0.384
<i>PCK2</i>	1.25±0.33	0.96±0.23	1.05±0.35	0.396
<i>BCKDHB</i>	1.08±0.19	0.85±0.26	1.02±0.26	0.406
<i>GPD1</i>	0.90±0.25	0.79±0.21	1.03±0.28	0.459
<i>HK1</i>	1.17±0.66	1.32±0.42	1.02±0.23	0.510
<i>PFKL</i>	0.89±0.26	1.08±0.20	1.03±0.30	0.539
<i>HSL</i>	0.85±0.48	0.74±0.37	1.05±0.36	0.544
<i>SUCLG1</i>	0.99±0.25	0.90±0.09	1.03±0.32	0.638
<i>PKM2</i>	1.06±0.46	0.80±0.51	1.13±0.55	0.654
<i>CACT</i>	1.31±0.56	1.04±0.31	1.03±0.31	0.666
<i>MDH2</i>	1.09±0.18	1.11±0.22	1.01±0.15	0.720
<i>PYGB</i>	0.99±0.31	1.13±0.27	1.13±0.61	0.760
<i>IDH3B</i>	1.01±0.39	0.89±0.32	1.06±0.41	0.771
<i>GOT2</i>	1.22±0.33	1.21±0.41	1.05±0.41	0.786
<i>PDHE1B</i>	0.94±0.13	0.92±0.20	1.02±0.21	0.786
<i>ACAA1</i>	1.24±0.65	1.29±0.40	1.09±0.47	0.789
<i>HMGCL</i>	1.01±0.22	0.92±0.32	1.02±0.21	0.812

False discovery rate (FDR)-adjusted *P*-values are for Welch's ANOVA tests for differences in group means.