

Table S3. Normalized gene expression values (means  $\pm$  s.d.) for liver samples taken from arctic ground squirrels hibernating at ambient temperatures of +2 and -10°C during late arousal and late torpor

Gene	+2°C late arousal	-10°C late arousal	+2°C late torpor	-10°C late torpor	FDR-adjusted P
<i>GSY1</i>	3.52 $\pm$ 0.29	2.56 $\pm$ 0.96	0.82 $\pm$ 0.31	1.05 $\pm$ 0.35	0.005
<i>AGPAT3</i>	2.45 $\pm$ 0.24	1.66 $\pm$ 0.50	1.47 $\pm$ 0.65	1.07 $\pm$ 0.45	0.021
<i>GSK3A</i>	2.54 $\pm$ 0.25	1.70 $\pm$ 0.91	1.38 $\pm$ 0.47	1.09 $\pm$ 0.51	0.021
<i>PFKL</i>	2.65 $\pm$ 0.23	2.08 $\pm$ 1.09	1.64 $\pm$ 0.73	1.12 $\pm$ 0.59	0.054
<i>HADHSC</i>	1.05 $\pm$ 0.16	1.23 $\pm$ 0.40	0.70 $\pm$ 0.09	1.01 $\pm$ 0.17	0.080
<i>ACACB</i>	0.59 $\pm$ 0.20	0.67 $\pm$ 0.19	1.09 $\pm$ 0.38	1.01 $\pm$ 0.15	0.097
<i>ACAT2</i>	1.26 $\pm$ 0.15	1.79 $\pm$ 0.79	0.76 $\pm$ 0.19	1.08 $\pm$ 0.46	0.097
<i>CACT</i>	1.11 $\pm$ 0.20	1.21 $\pm$ 0.40	0.66 $\pm$ 0.12	1.06 $\pm$ 0.36	0.097
<i>PDHE1B</i>	1.03 $\pm$ 0.10	1.25 $\pm$ 0.31	0.76 $\pm$ 0.11	1.02 $\pm$ 0.19	0.097
<i>ARG1</i>	0.83 $\pm$ 0.19	1.38 $\pm$ 0.31	0.73 $\pm$ 0.18	1.09 $\pm$ 0.45	0.098
<i>CPT1A</i>	2.75 $\pm$ 0.66	1.29 $\pm$ 0.59	1.17 $\pm$ 0.30	1.05 $\pm$ 0.35	0.098
<i>G6PC</i>	1.79 $\pm$ 0.63	1.52 $\pm$ 0.82	0.61 $\pm$ 0.21	1.05 $\pm$ 0.32	0.098
<i>GOT1</i>	1.34 $\pm$ 0.75	2.79 $\pm$ 1.11	0.73 $\pm$ 0.19	1.55 $\pm$ 1.62	0.098
<i>GSY2</i>	1.21 $\pm$ 0.56	1.21 $\pm$ 0.43	0.53 $\pm$ 0.08	1.08 $\pm$ 0.47	0.098
<i>PKM2</i>	2.02 $\pm$ 0.62	1.44 $\pm$ 0.24	2.11 $\pm$ 1.64	1.02 $\pm$ 0.23	0.098
<i>HMGCL</i>	2.04 $\pm$ 0.63	1.88 $\pm$ 0.86	1.30 $\pm$ 0.31	1.05 $\pm$ 0.34	0.114
<i>OXCT1</i>	1.55 $\pm$ 0.20	1.38 $\pm$ 0.31	0.94 $\pm$ 0.44	1.02 $\pm$ 0.23	0.119
<i>GOT2</i>	1.42 $\pm$ 0.18	1.57 $\pm$ 0.48	0.95 $\pm$ 0.32	1.04 $\pm$ 0.29	0.130
<i>PCK2</i>	3.02 $\pm$ 0.73	2.23 $\pm$ 1.54	1.67 $\pm$ 0.70	1.14 $\pm$ 0.71	0.130
<i>HADHA</i>	1.73 $\pm$ 0.39	1.28 $\pm$ 0.40	0.97 $\pm$ 0.27	1.03 $\pm$ 0.25	0.135
<i>HK1</i>	1.68 $\pm$ 0.25	1.46 $\pm$ 0.28	1.70 $\pm$ 0.56	1.06 $\pm$ 0.40	0.135
<i>GPD1</i>	0.97 $\pm$ 0.22	0.95 $\pm$ 0.18	1.39 $\pm$ 0.24	1.04 $\pm$ 0.33	0.177
<i>IDH3B</i>	1.29 $\pm$ 0.24	1.37 $\pm$ 0.38	0.87 $\pm$ 0.19	1.02 $\pm$ 0.19	0.177
<i>MDH2</i>	1.31 $\pm$ 0.15	1.20 $\pm$ 0.32	0.93 $\pm$ 0.20	1.08 $\pm$ 0.44	0.183
<i>ACADVL</i>	1.81 $\pm$ 0.31	1.51 $\pm$ 0.64	1.20 $\pm$ 0.45	1.12 $\pm$ 0.56	0.202
<i>ACAT1</i>	1.07 $\pm$ 0.29	1.03 $\pm$ 0.29	0.80 $\pm$ 0.10	1.01 $\pm$ 0.14	0.207
<i>BDH2</i>	1.06 $\pm$ 0.27	1.24 $\pm$ 0.19	0.77 $\pm$ 0.29	1.03 $\pm$ 0.25	0.207
<i>LDHB</i>	0.54 $\pm$ 0.22	0.51 $\pm$ 0.08	0.70 $\pm$ 0.19	0.95 $\pm$ 0.41	0.207
<i>GLUD1</i>	1.33 $\pm$ 0.34	1.48 $\pm$ 0.16	1.62 $\pm$ 0.70	1.05 $\pm$ 0.33	0.229
<i>UGP2</i>	1.27 $\pm$ 0.45	1.17 $\pm$ 0.26	0.79 $\pm$ 0.20	1.02 $\pm$ 0.19	0.229
<i>OTC</i>	0.84 $\pm$ 0.29	1.21 $\pm$ 0.31	0.79 $\pm$ 0.18	1.06 $\pm$ 0.40	0.276
<i>CS</i>	1.37 $\pm$ 0.22	1.30 $\pm$ 0.33	1.15 $\pm$ 0.21	1.03 $\pm$ 0.25	0.303
<i>GAPDH</i>	0.92 $\pm$ 0.11	1.02 $\pm$ 0.13	0.85 $\pm$ 0.11	1.01 $\pm$ 0.17	0.326
<i>ELOVL6</i>	1.35 $\pm$ 0.81	1.28 $\pm$ 0.66	0.73 $\pm$ 0.30	1.08 $\pm$ 0.44	0.428
<i>SUCLGI</i>	1.07 $\pm$ 0.14	1.12 $\pm$ 0.40	0.87 $\pm$ 0.13	1.02 $\pm$ 0.25	0.442
<i>ACAA2</i>	0.94 $\pm$ 0.17	1.07 $\pm$ 0.34	0.77 $\pm$ 0.21	1.08 $\pm$ 0.45	0.476
<i>PCK1</i>	1.09 $\pm$ 0.85	0.77 $\pm$ 0.83	0.65 $\pm$ 0.23	1.07 $\pm$ 0.42	0.476
<i>BCKDHB</i>	0.87 $\pm$ 0.18	1.01 $\pm$ 0.26	0.82 $\pm$ 0.07	1.06 $\pm$ 0.39	0.477
<i>CRAT</i>	1.71 $\pm$ 0.38	1.18 $\pm$ 0.73	1.32 $\pm$ 0.57	1.12 $\pm$ 0.58	0.477
<i>ACAA1</i>	1.24 $\pm$ 0.19	0.79 $\pm$ 0.56	0.98 $\pm$ 0.40	1.10 $\pm$ 0.47	0.483
<i>HPD</i>	1.45 $\pm$ 0.77	2.23 $\pm$ 0.89	1.24 $\pm$ 0.71	1.37 $\pm$ 1.05	0.489
<i>ACSL3</i>	0.93 $\pm$ 0.27	1.04 $\pm$ 0.40	0.81 $\pm$ 0.18	1.01 $\pm$ 0.19	0.518
<i>PAH</i>	1.25 $\pm$ 0.28	1.20 $\pm$ 0.50	0.92 $\pm$ 0.40	1.05 $\pm$ 0.40	0.518
<i>PDK2</i>	1.39 $\pm$ 0.32	0.98 $\pm$ 0.36	1.17 $\pm$ 0.38	1.12 $\pm$ 0.60	0.538
<i>HSL</i>	1.09 $\pm$ 0.45	1.13 $\pm$ 0.70	2.28 $\pm$ 1.62	1.04 $\pm$ 0.33	0.617
<i>SCD</i>	1.55 $\pm$ 0.68	2.44 $\pm$ 1.73	1.22 $\pm$ 0.84	1.26 $\pm$ 0.97	0.617
<i>FABP4</i>	1.29 $\pm$ 0.86	1.60 $\pm$ 0.75	1.05 $\pm$ 0.24	1.13 $\pm$ 0.65	0.649
<i>BCKDHA</i>	1.16 $\pm$ 0.33	1.21 $\pm$ 0.44	1.32 $\pm$ 0.23	1.07 $\pm$ 0.42	0.699
<i>HMGCS2</i>	1.13 $\pm$ 0.31	1.13 $\pm$ 0.50	0.93 $\pm$ 0.17	1.08 $\pm$ 0.42	0.699
<i>ACADM</i>	0.92 $\pm$ 0.08	0.99 $\pm$ 0.28	0.90 $\pm$ 0.11	1.05 $\pm$ 0.34	0.810
<i>PDK1</i>	1.04 $\pm$ 0.35	1.30 $\pm$ 0.58	1.00 $\pm$ 0.15	1.05 $\pm$ 0.38	0.817
<i>FABP1</i>	1.68 $\pm$ 0.70	1.29 $\pm$ 0.73	1.37 $\pm$ 0.68	1.20 $\pm$ 0.55	0.879
<i>IDH2</i>	1.13 $\pm$ 0.23	1.02 $\pm$ 0.41	0.99 $\pm$ 0.27	1.04 $\pm$ 0.30	0.879

False discovery rate (FDR)-adjusted P-values are for Welch's ANOVA tests for differences in group means.