

Table S4. Normalized gene expression values (means \pm s.d.) for BAT samples taken from arctic ground squirrels hibernating at ambient temperatures of +2 and -10°C during late arousal and late torpor

Gene	+2°C late arousal	-10°C late arousal	+2°C late torpor	-10°C late torpor	FDR-adjusted <i>P</i>
<i>IDH2</i>	2.00 \pm 0.48	1.29 \pm 0.24	1.88 \pm 0.41	1.01 \pm 0.18	0.111
<i>ACSL3</i>	1.21 \pm 0.24	1.22 \pm 0.57	0.66 \pm 0.09	1.03 \pm 0.29	0.111
<i>GOT1</i>	0.77 \pm 0.26	1.20 \pm 0.29	0.55 \pm 0.15	1.03 \pm 0.27	0.111
<i>BDH2</i>	1.18 \pm 0.18	1.16 \pm 0.26	0.73 \pm 0.15	1.04 \pm 0.33	0.154
<i>GSY2</i>	0.42 \pm 0.16	0.47 \pm 0.13	0.60 \pm 0.31	1.04 \pm 0.30	0.155
<i>PCK1</i>	0.75 \pm 0.17	0.94 \pm 0.28	0.70 \pm 0.17	1.00 \pm 0.09	0.195
<i>HK1</i>	0.79 \pm 0.21	1.15 \pm 0.38	0.72 \pm 0.05	1.02 \pm 0.19	0.195
<i>FABP4</i>	0.75 \pm 0.10	1.04 \pm 0.22	0.90 \pm 0.1	1.01 \pm 0.16	0.230
<i>OXCT1</i>	0.58 \pm 0.21	1.26 \pm 0.49	0.61 \pm 0.19	1.07 \pm 0.39	0.230
<i>ACAA2</i>	1.30 \pm 0.25	0.96 \pm 0.08	1.22 \pm 0.23	1.01 \pm 0.13	0.265
<i>HADHSC</i>	1.28 \pm 0.13	1.15 \pm 0.19	1.20 \pm 0.30	1.01 \pm 0.14	0.271
<i>PYGB</i>	0.99 \pm 0.26	1.23 \pm 0.70	0.69 \pm 0.16	1.02 \pm 0.21	0.271
<i>ACAA1</i>	0.66 \pm 0.29	0.61 \pm 0.24	0.65 \pm 0.20	1.03 \pm 0.26	0.298
<i>ACADM</i>	0.99 \pm 0.20	1.10 \pm 0.18	1.27 \pm 0.16	1.00 \pm 0.11	0.305
<i>GSK3A</i>	1.23 \pm 0.28	1.26 \pm 0.34	0.84 \pm 0.19	1.03 \pm 0.31	0.305
<i>HMGCL</i>	1.51 \pm 0.28	1.14 \pm 0.35	1.35 \pm 0.46	1.03 \pm 0.26	0.331
<i>SCD</i>	1.32 \pm 0.65	2.99 \pm 3.11	0.67 \pm 0.26	1.05 \pm 0.39	0.338
<i>PDK1</i>	0.93 \pm 0.12	1.26 \pm 0.22	1.03 \pm 0.16	1.04 \pm 0.30	0.338
<i>GSY1</i>	1.19 \pm 0.60	1.42 \pm 0.37	0.90 \pm 0.18	1.02 \pm 0.19	0.353
<i>HSL</i>	0.74 \pm 0.10	1.13 \pm 0.38	0.83 \pm 0.34	1.04 \pm 0.37	0.374
<i>PKM2</i>	0.79 \pm 0.17	0.89 \pm 0.17	0.77 \pm 0.15	1.02 \pm 0.22	0.443
<i>FABP1</i>	22.83 \pm 39.67	45.97 \pm 51.35	7.41 \pm 9.78	2.62 \pm 2.30	0.443
<i>ELOVL6</i>	1.48 \pm 0.76	6.72 \pm 11.74	0.85 \pm 0.18	1.02 \pm 0.23	0.443
<i>PDHE1B</i>	0.95 \pm 0.13	1.10 \pm 0.46	0.73 \pm 0.20	1.04 \pm 0.32	0.443
<i>PDK2</i>	1.04 \pm 0.49	1.09 \pm 0.38	0.81 \pm 0.11	1.03 \pm 0.24	0.443
<i>UGP2</i>	0.94 \pm 0.18	1.24 \pm 0.22	1.10 \pm 0.20	1.00 \pm 0.09	0.443
<i>CPT1A</i>	0.86 \pm 0.25	1.15 \pm 0.15	0.99 \pm 0.26	1.03 \pm 0.27	0.443
<i>CPT1B</i>	0.79 \pm 0.14	0.85 \pm 0.12	1.03 \pm 0.22	1.05 \pm 0.38	0.443
<i>PCK2</i>	1.15 \pm 0.15	0.93 \pm 0.21	1.24 \pm 0.27	1.03 \pm 0.28	0.443
<i>HMGCS2</i>	1.09 \pm 1.03	0.67 \pm 0.39	0.58 \pm 0.32	1.11 \pm 0.48	0.443
<i>CACT</i>	0.79 \pm 0.20	0.97 \pm 0.13	0.87 \pm 0.12	1.02 \pm 0.25	0.547
<i>GPD1</i>	0.92 \pm 0.36	1.56 \pm 0.62	1.09 \pm 0.41	1.03 \pm 0.28	0.566
<i>HADHA</i>	0.93 \pm 0.16	0.99 \pm 0.10	1.16 \pm 0.21	1.01 \pm 0.17	0.566
<i>PFKL</i>	1.13 \pm 0.10	1.04 \pm 0.18	1.01 \pm 0.16	1.01 \pm 0.14	0.566
<i>GLUD1</i>	1.12 \pm 0.20	1.13 \pm 0.23	0.96 \pm 0.10	1.00 \pm 0.09	0.566
<i>GOT2</i>	1.20 \pm 0.47	0.99 \pm 0.23	0.88 \pm 0.15	1.00 \pm 0.11	0.601
<i>LDHB</i>	0.89 \pm 0.12	1.03 \pm 0.29	0.97 \pm 0.15	1.02 \pm 0.23	0.744
<i>ACAT2</i>	1.09 \pm 0.24	1.02 \pm 0.42	0.87 \pm 0.22	1.01 \pm 0.18	0.744
<i>IDH3B</i>	1.25 \pm 0.28	1.13 \pm 0.22	1.25 \pm 0.24	1.03 \pm 0.31	0.745
<i>BCKDHA</i>	1.09 \pm 0.21	1.01 \pm 0.15	1.24 \pm 0.37	1.02 \pm 0.20	0.798
<i>GAPDH</i>	1.01 \pm 0.39	1.02 \pm 0.38	0.91 \pm 0.13	1.01 \pm 0.14	0.837
<i>CS</i>	0.96 \pm 0.13	1.03 \pm 0.19	1.11 \pm 0.29	1.02 \pm 0.21	0.898
<i>MDH2</i>	1.00 \pm 0.14	1.06 \pm 0.26	1.09 \pm 0.17	1.01 \pm 0.19	0.912
<i>ACACB</i>	1.02 \pm 0.29	1.07 \pm 0.21	0.94 \pm 0.18	1.03 \pm 0.25	0.912
<i>BCKDHB</i>	1.02 \pm 0.28	1.03 \pm 0.13	0.89 \pm 0.28	1.04 \pm 0.34	0.912
<i>CRAT</i>	1.09 \pm 0.15	0.98 \pm 0.24	1.08 \pm 0.22	1.04 \pm 0.35	0.939
<i>SUCLG1</i>	1.08 \pm 0.12	1.04 \pm 0.18	1.13 \pm 0.24	1.02 \pm 0.24	0.954
<i>ACAT1</i>	0.96 \pm 0.15	0.98 \pm 0.30	0.95 \pm 0.15	1.02 \pm 0.24	0.960
<i>AGPAT3</i>	1.15 \pm 0.31	1.05 \pm 0.19	1.07 \pm 0.18	1.05 \pm 0.36	0.960
<i>ACADVL</i>	1.09 \pm 0.31	1.06 \pm 0.10	1.05 \pm 0.22	1.02 \pm 0.19	0.960

False discovery rate (FDR)-adjusted *P*-values are for Welch's ANOVA tests for differences in group means.